

Genes asociados al riesgo de autismo son comunes a todos los grupos étnicos

Las personas latinoamericanas presentan mayor diversidad de orígenes.

Las piezas de ADN vinculadas al riesgo de autismo son las mismas en personas de diferentes orígenes étnicos, señaló una investigación publicada ayer por la Facultad de Medicina del Hospital Mount Sinai, en Nueva York, Estados Unidos, en la prestigiosa revista Nature.

En la última década, los científicos han identificado numerosas variantes genéti-

cas raras que confieren un riesgo sustancial de autismo y otros trastornos del desarrollo neurológico. Su limitación era que la inmensa mayoría de las personas estudiadas eran de origen europeo.

Para subsanar esa laguna, los autores del análisis conocido ayer revisaron los genes de 15.000 latinoamericanos de América del Norte, Central y del Sur, entre ellos

aproximadamente 4.700 diagnosticados con autismo.

La población latinoamericana es el mayor grupo de ascendencia mixta a nivel mundial, con orígenes americanos, africanos occidentales y europeos. Esta rica diversidad genética ofrece una gran oportunidad para refinar las asociaciones entre genes y enfermedades, señalaron los autores.

Los científicos en total identificaron 35 genes significativamente asociados con el autismo, los que fueron comparados con los europeos. "Nuestros resultados indican que la arquitectura genética central del autismo es común a todas las ascendencias. La biología subyacente en la enfermedad es universal", afirmó el autor principal, Joseph Buxbaum.



El estudio siguió ancestros europeos codificados en el ADN.